

**Propozycja zmiany osi czasu w aplikacji badań genetycznych w raku stercza. Wykorzystanie
przekroczonej biopsji fuzyjnej, jako narzędzia pozwalającego na uzyskanie materiału
diagnostycznego.**

Kałużewski T.^{1,2}, Kubiak I.¹, Kaczmarek J.³, Wilkosz J.⁴, Sobieraj D.⁵, Szwalski J.⁶, Bednarek M.¹,
Morel A.¹, Owczarek M.¹, Gach A.², Kałużewski B.^{1,7}

¹ Laboratorium Genetyki Medycznej „Genos” – Dział R&D, Łódź, Polska

² Zakład Genetyki, Instytut Centrum Zdrowia Matki Polki, Łódź, Polska

³ Oddział Chirurgii Ogólnej i Onkologicznej, Powiatowe Centrum Zdrowia w Brzezinach
sp. z o.o., Brzeziny, Polska

⁴ Wojewódzkie Wielospecjalistyczne Centrum Onkologii i Traumatologii im. M. Kopernika
w Łodzi - Oddział Urologii Ogólnej, Onkologicznej i Czynnościowej – II Klinika Urologii UM
w Łodzi, Polska

⁵ Oddział Urologii i Urologii Onkologicznej, Wojewódzki Szpital Podkarpacki
im. Jana Pawła II, Krosno, Polska

⁶ CYTOPATHS. A., Pracownia Histopatologiczna, Łódź, Polska

⁷ Regionalny Ośrodek Profilaktyki Choroby Nowotworowej przy Zduńskowolskim Szpitalu
Powiatowym w Zduńskiej Woli, Polska

Rak gruczołu krokowego jest częstą chorobą nowotworową, której wczesna diagnostyka ma istotne znaczenie. Obok badań histopatologicznych (klasyfikacja Gleasona), wyniki badań genetycznych stają się cennym źródłem informacji umożliwiającym spersonalizowanie procesu leczenia oraz wiarygodne rokowanie. Technika biopsji fuzyjnej gruczołu krokowego pod nadzorem ultrasonografii przezodbytniczej z zastosowaniem rezonansu magnetycznego stworzyła nową jakość w precyzyjnej lokalizacji miejsca pobrania tkanki, umożliwiając również wtórne precyzyjne umiejscowienie zmian. Materiałem, którym obecnie najczęściej dysponują genetycy są zarchiwizowane bloczki parafinowe, zawierające materiał tkankowy, który wykorzystano w diagnostyce histopatologicznej. Nawet starannie przeprowadzone procedury histopatologiczne nie pozostają bez wpływu na jakość DNA, ograniczając przydatność tak pozyskanego materiału dla celów diagnostycznych. Prezentujemy sposób pozyskiwania bioptatów gruczołu krokowego, który umożliwia izolację wysokocząsteczkowego DNA użytecznego w procedurach sekwencjonowania nowej generacji.